

Odkrycie rodu A00 w Kamerunie

Znamy już genealogię współczesnej ludzkości i naszego genetycznego ojca, Y-Adama !

2012 r. odkryto małą, ale **najstarszą gałąź** współczesnej ludzkości, oznaczoną w genetyce symbolem **A00**. Jest to nasz bratni ród, powstały bezpośrednio pod wspólnym przodkiem, **Y-Adamem**, około **250 tysięcy** lat temu, żyjący do dziś w **Połudn.-Zach. Kamerunie**

WYKONAWCY PROJEKTU

- * **Bonnie Schrack, Maryland (USA)**
– administrator projektu ‘Haplogrupa-A FTDNA’
- * **Thomas Krahn i in., Houston (DE i USA)**
– wykonawcy laboratoryjnych testów Y-DNA
- * **Fernando Mendez i zesp., Uniwersytet Arizona (USA)**
– autorzy naukowej publikacji wyników i analiz
- * **ks. Stanisław Pietrzak, Łukowica-KrasneP-Tropie (PL)**
– główny inspirator i inwestor badań

Potwierdził się Kreacjonizm ewolucjonistyczny człowieka!

Mała, może tylko kilkunastotysięczna grupa rodu A00, żyjąca do dziś w południowo-zachodnim Kamerunie wśród plemion Bangwa i Nkogho-Mbo, jest bliska ostatecznego wymarcia.

Myślę, że katolicy, chrześcijanie, ludzie rozumni i szlachetnego serca oraz międzynarodowe organizacje, tak bardzo zatroskane o ginące gatunki świata roślin czy zwierząt, nie pozwolą tej małej gałęzi ludzkości zagać; zatroszczą się o jej rozwój.

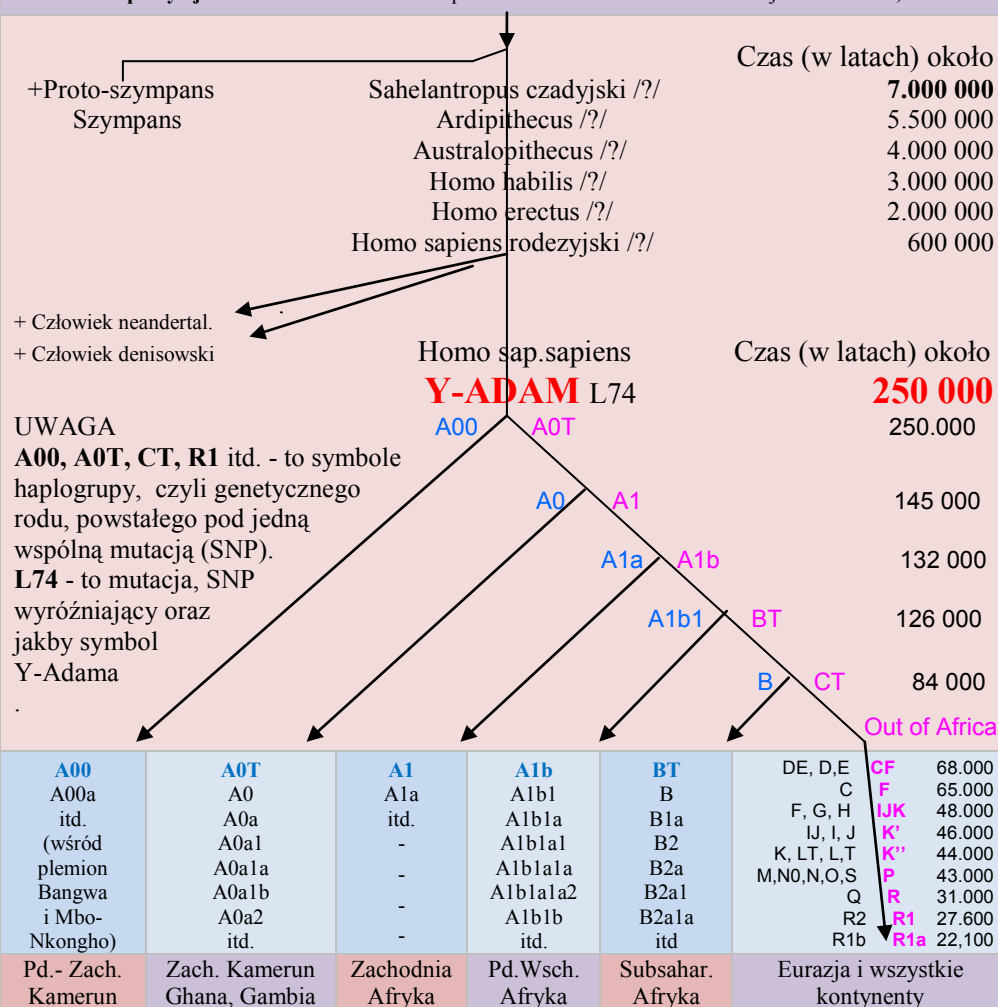
Tu chodzi o ludzi, o człowieka!

http://www.tropie.tarnow.opoka.org.pl/pol_adamfra00.htm

Początek, rozwój i drzewo genealogiczne człowieka

Nasz wspólny ojciec Y-ADAM.

Opracowanie. 15.03.2013. Aktualizacja 20.10.2015, xStP



Geograficzny kierunek ekspansji człowieka →

Stwórca nasz “lepił” Y-Adama przez około 7 milionów lat – jako oddzielną od zwierzęcego przodka istotę rozumną. Y-Adam, praojciec wszystkich dzisiejszych ludzi, żył około 250.000 lat temu, zapewne w zachodnim Kamerunie. Tam dziś żyją najwcześniej powstałe rody: **A0 i A00**.

Dziś ludność europejską stanowią w około 50-90 procentach dwa najmłodsze rody genetyczne Y-DNA: **R1a i R1b**. W Polsce przeważa ród **R1a** (56 %), wyróżniający w Środkowo-Wschodniej Europie Słowian, a w Azji indo-irańskich Ariów. Ród **R1b** to głównie zachodnioeuropejska ludność celtycka i romańska. Niemcy zaś to składanka głównie z trzech rodów Y-DNA: **I1, R1b i R1a**.

Wyjaśnienie pojęć genealogii genetycznej człowieka w chromosomach Y-DNA, mtDNA i aDNA

Ludzki **chromosom**, zwany też genomem, to mikroskopijnie cienka dwuniciowa struktura, złożona z białek i kwasu nukleinowego (DNA). Skręcona jest w kształcie spiralnej helisy o długości około 2 m, a grubości około 3 nm (3 nanometry = trzy milionowe milimetra). Chromosomy są pojedynczo odpowiednio „spakowane” i ukryte w jądrach miliardów ludzkich komórek.

Najmniejszą cząstką chromosomu jest umownie **nukleotyd**. Złożony jest on z grupy cukrowej czyli węglowej, grupy fosforanowej oraz zasady azotowej. Ponieważ zasady te mogą wystąpić w czterech formach (Adenina, Guanina, Cytosyna lub Tymina), dlatego rozróżnia się cztery rodzaje nukleotydów, oznaczonych literami **A, G, C i T**.

Są to jakby cztery litery alfabetu genetycznego i całej olbrzymiej księgi informacji genetycznych w organizmie człowieka. W tej bowiem około dwumetrowej nici chromosomu znajduje się aż około trzy miliardy par zasad, czyli 6 miliardów nukleotydów, owych liter księgi genetycznej. Zespoły setek lub tysięcy nukleotydów, kodujące oddzielne informacje dla tworzonych i działających białek organizmu, nazywamy **genami**.

Poszczególne nukleotydy, te „litery” księgi genetycznej, mogą bardzo rzadko, bo umownie raz na około miliard lat, **mutować**, czyli wymieniać się między sobą, dopisywać się lub ginąć. Te zmutowane nukleotydy nazywamy skrótem **SNP** (single nucleotide polymorphism, w skrócie: snip). Mają one rozmaite symbole literowe i cyfrowe, nadawane przez laboratoria, które je wykryły, np. L74, M417, YP380 itd.

Mutacje (SNP, czyli snipy) są trwałe i bez zmian dziedziczone przez potomków, przekazując nam w ten sposób bio-historyczne informacje o naszych przodkach i ich rodowych powiązaniach. Jeżeli wiemy, że nasz najbliższy wspólny ojciec wszystkich współczesnych ludzi, **Y-Adam**, żył około 250.000 lat temu, to w każdej linii genealogicznej od niego do dziś powstało (i w każdym dzisiejszym człowieku przechowuje się) około 2.200 mutacji (SNP). Oznacza to, że do tego rodzaju mutacji dochodzi co około trzech pokoleń.

Na liniach poniżej naszych wspólnych przodków, Y-Adama i mt-Ewy, powstają genealogiczne snipy w trzech rejonach chromosomu i dochodzą do nas jakby trzema rodzajami ścieżek:

1) mutacje w genach mitochondrialnych (**mtDNA**) czyli energetycznych powstają i dochodzą do nas w linii prostej od pierwszej wspólnej matki, mitochondrialnej Ewy (mt-Ewa),

2) mutacje, do których dochodzi w specyficznych, nierekombinujących regionach ojcowskiego **Y-DNA**, powstają i dochodzą do nas też w liniach prostych od pierwszego wspólnego ojca, Y-chromosomalnego Adama, tzw. Y-Adama. Pozwalają one ustalić drzewo genealogiczne jednostki, rodziny, a także pierwotnych rodów ludzkich, począwszy od pierwszych wspólnych rodziców współczesnego człowieka,

3) inne wreszcie mutacje powstają w pozostałych, czyli autosomalnych genach (**aDNA**), a to poprzez związki rodzicielskie (seksualne), a więc dochodzą do nas w liniach bocznych. Wskazują one na szerokie populacje ludzkie, wśród który żyli nasi ojcowie lub matki; są więc szczególnym przedmiotem zainteresowania genetyki populacyjnej. Te wszystkie rodzaje mutacji mają swoją specyfikę i swoje statystyczne tempo.

Cała ludzkość, jako potomkowie Y-Adama, została przez genetyków "podzielna" na dwadzieścia wyróżniających się wielkich gałęzi rodów genetycznych, oznaczonych kolejnymi dużymi literami alfabetu i cyframi, np. R1a1b, które razem wskazują miejsce na drzewie genealogicznym, przy czym najmłodszej, a zarazem chyba największej z nich, przypisano literę R. Z niej grupa mutacji oznaczana symbolem **R1a** okazała się wyróżnikiem większości ludów słowiańskich w środkowej i wschodniej Europie oraz indo-irańskich Ariów w Azji, czyli dosłownie **Praindoeuropejczyków**.

Towarzyszy jej, pochodząca także od tego samego wspólnego przodka R1, a więc bratnia dla wschodniej, „zachodnioeuropejska” gałąź **R1b**, ale jak dotąd, pierwotny jej związek ze wspólnym językiem praindoeuropejskim i ojczyzną Praindoeuropejczyków nie został jeszcze w nauce definitywnie wyjaśniony.

Praindoeuropejskie i prasłowiańskie ludy, żyjące początkowo w patrylinealnych rodach, były w Y-DNA w miarę jednolite genetycznie. Jednak z upływem tysiącleci zaasymlowały wiele innych grup, np. **I1 i I2** i znacznie utraciły pierwotną jednorodność.

Updt. 20.10.2015, StP.